

智慧化企業整合

Project 3

運用 CNN 辨識胸腔 X 光照片

110034566 黃采琳

指導教授：邱銘傳 教授

目錄

一、緒論.....	1
1.1 研究背景.....	1
1.2 5W1H.....	1
二、資料來源與前處理	1
2.1. 資料來源.....	1
2.2 資料前處理.....	2
三、模型建立與訓練	4
3.1 Densenet 介紹.....	4
3.2 模型訓練.....	5
四、超參數優化	6
五、結論.....	9
5.1 研究貢獻.....	9
5.2 未來展望.....	9
六、參考文獻	10

一、緒論

1.1 研究背景

全球疫情肆虐打亂了人們的生活節奏，疫情初期更是掀起人們的恐慌，只要一出現咳嗽、流鼻涕等上呼吸道感染與症狀，就大量湧向醫院要求主動篩檢，這對醫院來說是極大的負擔，為了讓大型醫院能專注治療嚴重的個案，會將篩檢任務分配給其他第二、三級區域的醫院篩檢站，放射科醫師一天約需看數百張至數千張的 X 光片，而在判讀胸腔 X 光片時，必須不斷放大縮小局部畫面，確保不會出現任何細小變化，在數量與時間的壓力下，消耗大量的眼力與腦力，難免會有疏漏，且每位醫師所判讀的結果可能也會不同。本研究希望以 CNN 建立一判讀胸腔 X 光片的模型，來協助醫師判讀 X 光片更有效率，使醫師的負擔將得以減輕，並可優先將資源放在嚴重的患者上。

1.2 5W1H

What	醫師判讀的胸腔 X 光片過多，可能會有判讀錯誤的情形
Who	臨床醫師、放射科醫師
When	欲檢測是否罹患 COVID19
Where	各大醫院
Why	協助降低醫院人力負擔，能將資源放在嚴重患者身上
How	運用深度學習方法

二、資料來源與前處理

2.1. 資料來源

資料來源是從 kaggle 網站抓取下來的 Chest X-Ray (Pneumonia,Covid-19,Tuberculosis)資料集，包含 Normal、Covid19、Pneumonia(肺炎)、Tuberculosis(結核病)四種類別：

1. COVID19：共有 558 張
2. Normal：共有 1530 張
3. Pneumonia：共有 1257 張
4. Tuberculosis：共有 586 張

以上這幾種病徵，大多都會以胸腔 X 光片進行醫學上的判定，特別針對 COVID19 的患者，需要進行隔離的醫治，因此如何在最快的時間內確定患者的罹患的疾病，把握黃金治療期間，同時避免因等待期間過久而增加了本土傳染的機會，運用深度學習的方法，協助醫生加快工作效率，也解決在醫療資源較匱乏的區域，醫師能更加專注在治療病患，挽救更多的生命。

2.2 資料前處理

(1) 因原始資料集切分的數量不太對，因此本研究重新整理資料集後以 8:1:1 切分訓練、驗證、測試集

```
#訓練、驗證、測試: 8:1:1
#train
def moveFile(fileDir):
    pathDir = os.listdir(fileDir) #取圖片的原始路徑
    fileNumber=len(pathDir)
    rate=0.8 #自定義抽取圖片的比例，比方說100張抽10張，那就是0.1
    pickNumber=int(fileNumber*rate) #按照rate比例從資料夾中取一定數量圖片
    sample = random.sample(pathDir, pickNumber) #隨機選取pickNumber數量的樣本圖片
    print (sample)
    for name in sample:
        shutil.move(fileDir+name, tarDir+name)
    return
NAME = ["COVID19", "NORMAL", "PNEUMONIA", "TURBERCULOSIS"]
name = ["covid19", "normal", "pneumonia", "turberculosis"]
if __name__ == '__main__':
    for i in range(4):
        fileDir = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/{}/" .format(NAME[i]) #源圖片資料夾路徑
        tarDir = '/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/{}/' .format(name[i]) #移動到新的資料夾路徑
        moveFile(fileDir)
```

以下為資料切分的訓練集數量：

```
#各類別訓練集數量
name = ["covid19", "normal", "pneumonia", "turberculosis"]
for i in range(4):
    train_path = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/{}" .format(name[i])
    read = os.listdir(train_path)
    num = len(read)
    print(num)
```

```
552
1512
1200
560
```

(2) 資料擴增

由以上結果可看出各類別的數量呈現不平衡的情況，運用 Augmentor 來進行資料擴增，Augmentor 是一個 Python Package，用於幫助機器學習任務的影像增強與生成，Augmentor 可以使圖片進行透視偏斜、彈性變形、旋轉、裁剪、鏡像，因本次研究的圖片為胸腔 X 光片，為了不影響圖片的完整性，資料擴增只採用旋轉的方式，機率 0.5 設為旋轉 90 度，機率 0.5 左右旋轉，可以設定欲生成圖片的檔案格式、儲存的路徑、數量。

```
#新增covid19
p = Augmentor.Pipeline("/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/covid19", "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/new", save_format="PNG")
p.rotate90(probability=0.5)
p.rotate(probability=0.5,max_left_rotation=25,max_right_rotation=10)
p.sample(938)
```

```
#新增pneumonia
p = Augmentor.Pipeline("/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/pneumonia", "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/new", save_format="PNG")
p.rotate90(probability=0.5)
p.rotate(probability=0.5,max_left_rotation=25,max_right_rotation=10)
p.sample(300)
```

```
#新增tuberculosis
p = Augmentor.Pipeline("/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/tuberculosis", "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/new", save_format="PNG")
p.rotate90(probability=0.5)
p.rotate(probability=0.5,max_left_rotation=25,max_right_rotation=10)
p.sample(940)
```

因為正常類別的數量最多，因此不額外做擴增。

下圖為資料生成後的各類別訓練集數量，各類別訓練集資料皆為 1500 張左右。

```
#新增後 #各類別訓練集數量
name = ["covid19","normal","pneumonia","tuberculosis"]
for i in range(4):
    train_path = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/{}".format(name[i])
    read = os.listdir(train_path)
    num = len(read)
    print(num)
```

```
1500
1514
1500
1500
```

最後進行圖片歸一化、設定圖片大小為(224,224)、batch_size 為 64：

```

path_train = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/train/train"
path_val = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/val/val"
path_test = "/content/drive/MyDrive/chest_x_ray/test/test"
data_gen = ImageDataGenerator(rescale=1./255)
training_set = data_gen.flow_from_directory(path_train,
                                           class_mode='categorical',
                                           shuffle=True,
                                           target_size=(224, 224),
                                           batch_size=64,
                                           )
val_set = data_gen.flow_from_directory(path_val,
                                      class_mode='categorical',
                                      shuffle=True,
                                      target_size=(224, 224),
                                      batch_size=64,
                                      )
testing_set = data_gen.flow_from_directory(path_test,
                                           class_mode='categorical',
                                           shuffle=True,
                                           target_size=(224, 224),
                                           batch_size=64,
                                           )

training_set.class_indices

Found 1595 images belonging to 4 classes.
Found 752 images belonging to 4 classes.
Found 752 images belonging to 4 classes.
{'covid19': 0, 'normal': 1, 'pneumonia': 2, 'turberculosis': 3}

```

三、模型建立與訓練

3.1 Densenet 介紹

DenseNet 全名為 Densely Connected Convolutional Network。由許多個 Dense Block 組成，每個 Block 皆採用 bottleneck 結構，而 Dense Block 用了許多「層與層的連結」來達到特徵重用性。Densenet 的架構如下圖所示，假如我們有 L 層卷積神經網路，那就有 L 個(層與層之間的)連結，但 DenseNet 設計成有 $L(L+1)/2$ 個連結，因此 Densenet 有以下的優點：

(1) 減緩梯度消失的問題

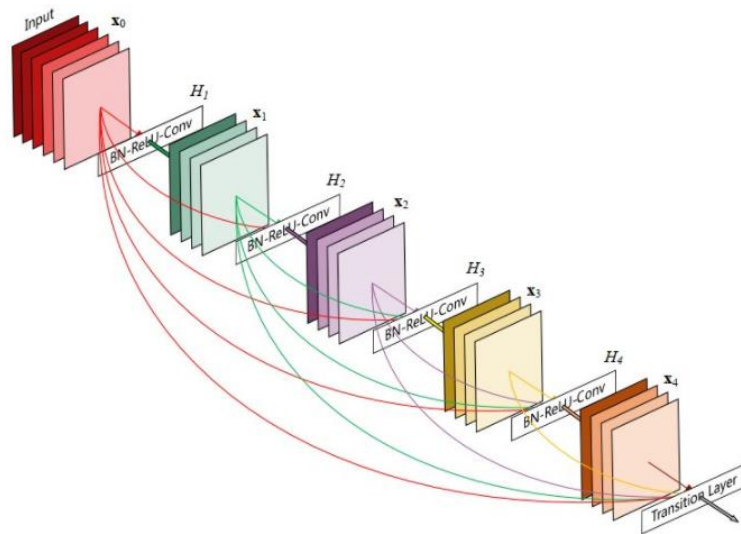
由於 Densely connected，反向梯度傳播十分容易，模型收斂效果佳。

(2) 特徵重用性

從低階特徵到高階特徵都會被直連到最後一層卷積層，這讓下一層接受到更全面的圖像資訊。

(3) 減少參數量

對於舊的特徵圖(feature-map)是不需要再去重新學習，能減少許多參數。



3.2 模型訓練

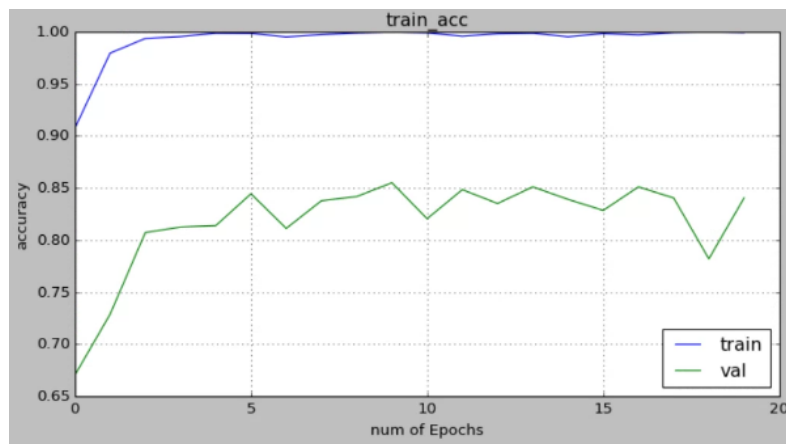
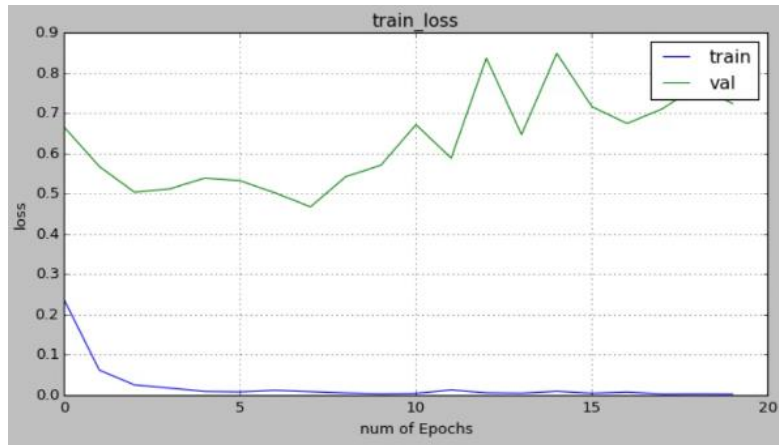
本研究採用 Densenet121 來進行模型訓練，keras 已內建 densenet 架構，模型初始設定優化器為 Adam、學習率 0.001、dropout 為 0.4、loss 為 binary_crossentropy：

```
#Densenet121
from tensorflow.keras.applications import DenseNet121
def get_model():
    densenet = DenseNet121(weights='imagenet',
                            include_top=False,
                            input_shape=(224, 224, 3)
                            )
    model = tf.keras.models.Sequential([densenet,
                                        GlobalAveragePooling2D(),
                                        Dense(512, activation='tanh'),
                                        BatchNormalization(),
                                        Dropout(0.4),
                                        Dense(4, activation='sigmoid')
                                        ])
    model.compile(optimizer=Adam(lr=0.0001),
                  loss='binary_crossentropy',
                  metrics=['accuracy']
                  )

    return model

model = get_model()
model.summary()
```

以下為利用初始設定的參數來進行訓練，得到隨著 epoch 增加，訓練 loss 與訓練精確度的變化圖。

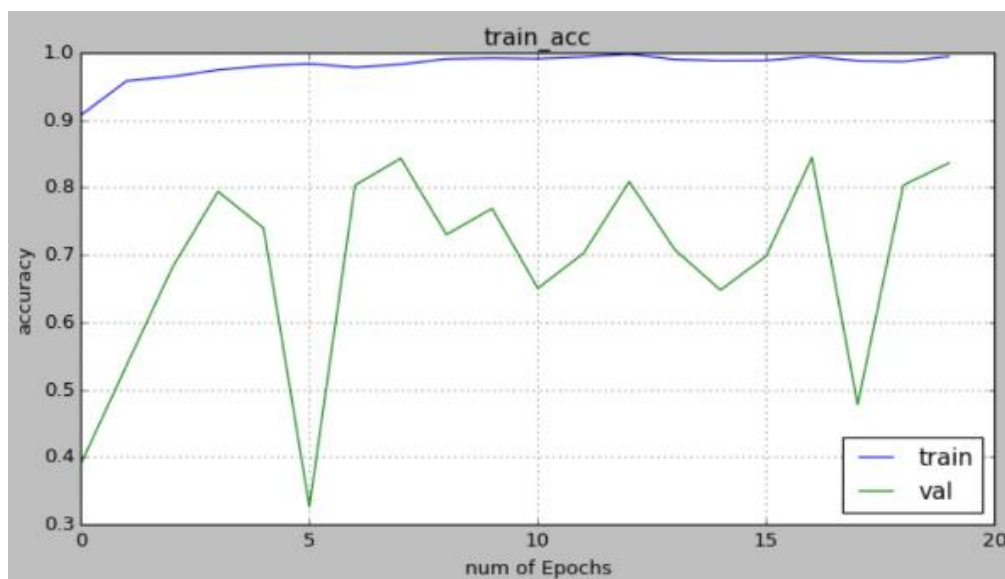
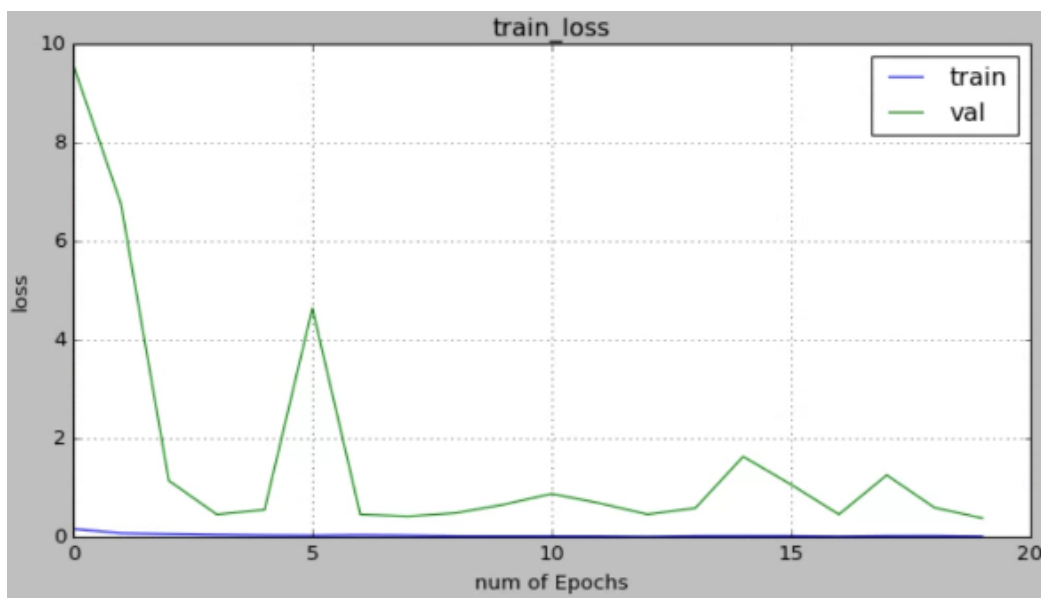


四、超參數優化

本研究以四因子(optimizer、Learning rate、dropout、Activate function)三水準的直交表(L₉)進行實驗設計，有效降低實驗次數，來找出一參數組合擁有較好的測試精確度。

	optimizer	Learning rate	dropout	Activate function	Train acc	Test acc
1	Adam	0.001	0.3	relu	0.9943	0.8231
2	Adam	0.0001	0.4	tanh	0.9992	0.8564
3	Adam	0.005	0.5	sigmoid	0.9764	0.6609
4	SGD	0.001	0.4	sigmoid	0.9757	0.8457
5	SGD	0.0001	0.5	relu	0.7970	0.7793
6	SGD	0.005	0.3	tanh	0.9980	0.8511
7	Adagrad	0.001	0.5	tanh	0.9940	0.8511
8	Adagrad	0.0001	0.3	sigmoid	0.9214	0.8231
9	Adagrad	0.005	0.4	relu	0.9995	0.8540

從上述實驗設計的結果可以看出，採用 Densenet 進行訓練，普遍的訓練精確度都是都蠻高的，多數有達到 99%，而以測試精確度來看，實驗 2 的測試精確度較高，達到 85.64%。以下呈現實驗 2 的 train_loss 與 train_acc。



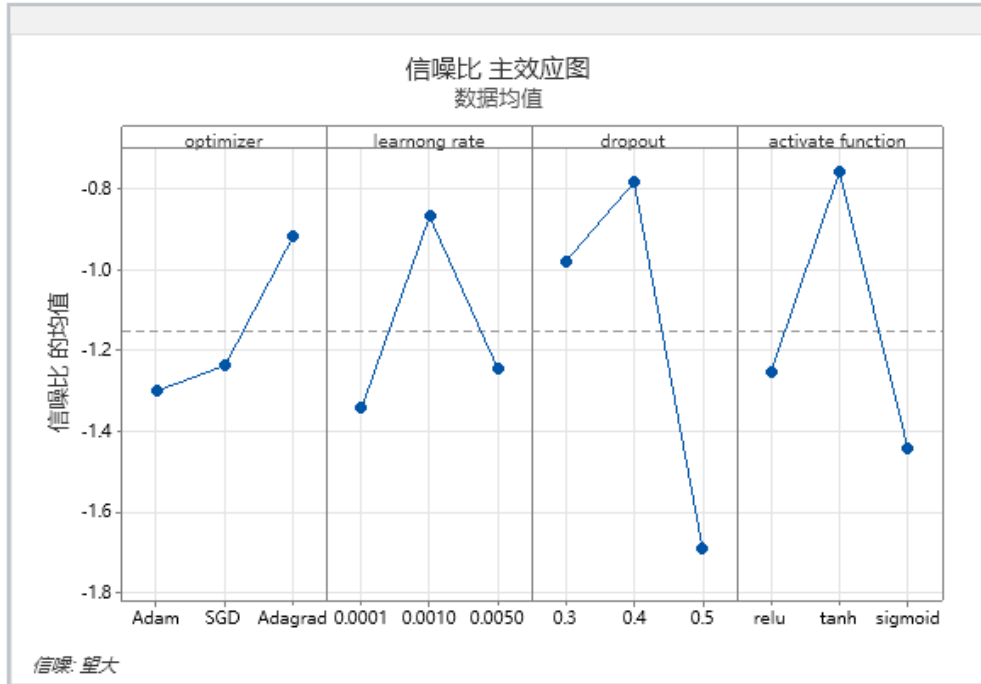
以下為使用 minitab 計算 SN 比，各因子 SN 比最大的水準分別為：

Optimizer: Adagrad

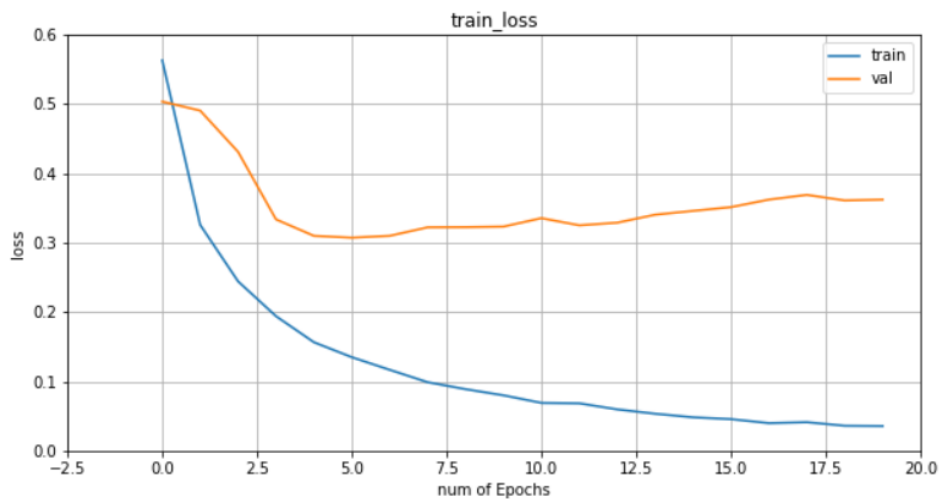
Learning rate: 0.001

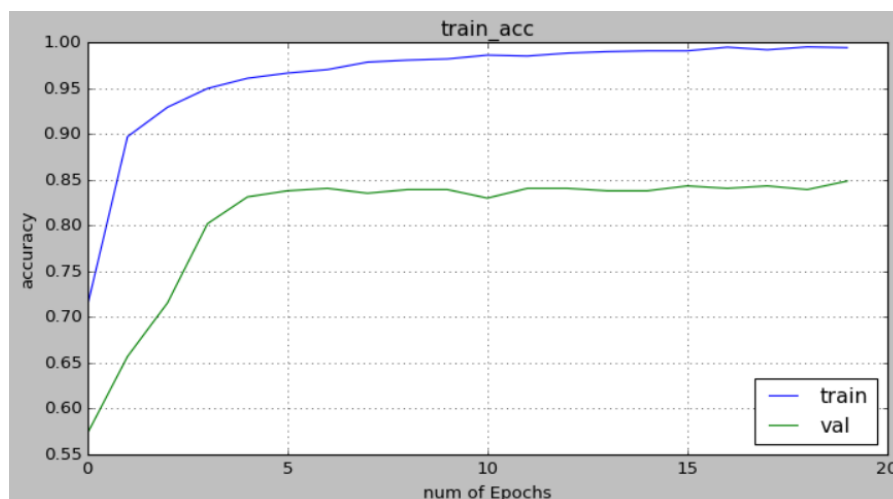
Dropout: 0.4

Activate function: tanh



利用 SN 比所得到的最佳參數組合來進行訓練，得到訓練精確度為 0.9940、測試精確度為 0.8497，比起實驗 2 的精確度略顯低一些。下圖呈現最佳參數組合隨著 epoch 增加的訓練/驗證 loss 與訓練/驗證 acc 的變化。





五、結論

5.1 研究貢獻

本研究透過建立 CNN 模型來協助醫生快速判讀患者的疾病，特別是對新手醫師來說，可能會因為經驗不足而導致對某些變化視而不見，那此模型就可以降低醫師的出錯率。

另外為了讓大型醫院能專注治療病情嚴重的個案，會將篩檢量能分配到第二、三線的醫院、或一些院外的篩檢站，而透過人工智慧的方法能提供醫院具有良好效率的工具，減輕醫院的人力負擔。

5.2 未來展望

可以嘗試增加可辨識疾病的數量，或建立一系統除了辨識疾病之外，還能標記出異常位置，或是有疑點的部位，降低對個人經驗值的依賴，協助醫生進行後續相關醫療處理。

六、參考文獻

1. 胸腔 X 光判讀

<https://www.commonhealth.com.tw/article/83517>

2. Densenet

<https://ithelp.ithome.com.tw/articles/10265328>

<https://medium.com/%E5%AD%B8%E4%BB%A5%E5%BB%A3%E6%89%8D/dense-cnn-%E5%AD%B8%E7%BF%92%E5%BF%83%E5%BE%97-%E6%8C%81%E7%BA%8C%E6%9B%B4%E6%96%B0-8cd8c65a6f3f>